

نموذج (I)

بيانات عن بحث مقدم للترقية

البحث السابع (مشترك)

Impact Factor = 0.468

A New Gene Selection Technique Based on Hybrid Methods for Cancer Classification Using Microarrays طريقه جديده لاختيار الجينات معتمده علي طرق مدمجه لتصنيف مرض السرطان باستخدام مصفوفات الحمض النووي الدقيقة	عنوان البحث
١. دينا أحمد سالم – طالبة ماجستير وقد قامت بإجراء البحث وإعداده للنشر. ٢. رانيا أحمد عبد العظيم – مشرف على الرسالة وقد قامت بتحديد نقطة البحث والمساعدة في إجرائه وإعداده للنشر. ٣. هشام أحمد علي – المشرف الرئيسي وقد بالإشراف على إخراج البحث ومراجعة العمل.	أسماء المؤلفين
IJBBB,,International Journal of Bioscience, Biochemistry and Bioinformatics ISSN: 2010-3638	اسم المجلة
Vol. 1, no. 4, pages 261-266 http://www.ijbbb.org/show-25-418-1.html http://www.ijbbb.org/papers/49-B102.pdf	رقم المجلد والعدد
٢٠١١	تاريخ النشر
يعد التصنيف أحد اهم تقنيات التنقيب عن البيانات وخصوصا في مجال المعلوماتية الحيوية . هذا ويمكن رؤية تأثيره بوضوح في تصنيف مرض السرطان التي يتم تناوله في الآونة الأخيرة من قبل العديد من الباحثين وخاصة بعد ظهور مصفوفات الحمض النووي الدقيقة .فتحت هذه التكنولوجيا المجال لباحثي علوم الكمبيوتر لتصنيف العينات السرطانية دون أي معرفة بيولوجية سابقة . تفرض مصفوفات الحمض النووي الدقيقة علي العلماء تصميم تقنيات الانتقاء الجيني كخطوة سابقة تسبق اختيار المصنف . تختلف تقنيات اختيار الجينات وفقا للمصنف المشترك . في هذا البحث نقترح تقنيه جديده لتصنيف الجينات الذي تجمع بين تقنية اختيار أساليب F- درجة و بين الأساليب القائمه علي الأنثروبي .ويتم تغذية الناتج من تقنيات اختيار الجينات المجمعه إلى اثنين من المصنفات المختلفه مما أدى إلى نظامين مجمعان لتصنيف مرض السرطان .حققت النظم المقترحة دقة تصنيف يمكن الاعتماد عليها عند اختبارها على مجموعتين من بيانات مصفوفات الحمض النووي الدقيقة المختلفة . هذا مما يؤكد على نجاح تقنية تصنيف الجينات المقترحة وذلك لانه التقنيه المقترحه نجحت بكفائه في تقليل العدد الأصلي للجينات بنسبة ٧١.٢٩ % .	الملخص باللغة العربية