البحث الاول

(بحث فردى – غير مشتق من رسالة علمية)

- **عنوان البحث باللغة العربية :** عوامل الخطورة وتحديد النوع الجيني الجزيئي لسلالات البروسيلا ميليتينسيس المستخلصة من البشر والماشية المملوكة لهم في صعيد مصر

المشاركون فى البحث :.

د. نورالدين حسني عبد الحميد (ياحث اول-معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الجيزه)

أ.د. حازم محمد غوباشي(رئيس بحوث-معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الجيزه)

د. ايمان ابراهيم محمود بليطة (ياحث اول -معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الجيزه)

1.د عصام الدين محمد البيومي (رئيس بحوث -معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الجيزه)

د. رانيا ابراهبم اسماعيل(ياحث اول -معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الجيزه)

د. سلطام فراج نجاتي(ياحث اول -معهد بحوث الصحه الحيوانيه-مركز البحوث الزراعيه الفيوم)

أ.د. م صفاء خمبس حسن(قسم الصحه العامه وطب المجتمع-جامغة الفيوم.)

أ.د.م.وليد ماجد منير(اقسم الصحه و الطب الوقائي-كليه الطب البيطري-كفر الشيخ)

مكان و تاريخ نشر البحث :

بحث منشور فى مجلة صحه واحده -مجلد 13، صفحة1- 8،ديسمبر 2021

.

الملخص العربى :

يعد مرض البروسيلا من اهم الامرض الرئيسيه التي تصيب الحيوانات ولها تاثير مدمر على الصحة العامه والاقتصاد في دول حوض البحر المتوسط ومن ضمنها مصر.

الاهداف: تحديد عوامل الخطر المرتبطة بالحمه المالطيه في البشر وفي مواشيهم بمحافظة الفيوم - صعيد مصر. أيضا ،النوع الجيني الجزيئي لمعزلات البروسيلا المستعادة من الحالات البشرية وماشيتها لتقييم الانتقال المحتمل بين الأنواع في منطقة الدراسة

قائم بعمل رئيس القسم
أ.د.م وفاء يوسف

قائم بعمل عميد الكلية
أ.د.عاصم العيسوي

الطرق: البيانات تم الحصول عليها من خلال دراسات الحالات والشواهد المزدوجة المتطابقة لمرض البروسيلا في البشر (106 حالة و 160 مجموعة تحكم) وفي ماشيتهم (78 حالة للماشية و 105 تحكم للماشية)

النتائج: أظهرت النتائج ان : ارتبط خطر الإصابة في البشر ب: الاتصال مع الحيوانات المصابة (OR= 2.1، P= 0.02) ، عدوى سابقة في أفراد الأسرة (OR=3.2 ، p=0.007) ، وتناول الجبن الطري محلي الصنع (OR= 2.3، P= 0.03) ، والتعرض للماشية للإجهاض (OR= 6.9، P <0.001). بالنسبة للماشية ، كانت مؤشرات داء البروسيلا هي النضج 2 سنة من العمر (OR= 2.9، P=0.01) ، حيوانات تربى في نفس المنزل OR= 3.7 ، P=0.001) ، والإجهاض الحديث (OR= 15.2، P= 0.01). تم استعادة اثنتي عشرة معزولة من البروسيلا من ثماني حالات بشرية (7.5٪ ، 106/8) وأربع حالات ماشية (6.2٪ ، 4 /65). جميع المعزلات كانت B. melitensisbiovar 3. أظهر تحليل تسلسل الجين IS711 تجانس كامل (100٪) بين المعزلات. تم استخدام ستة جينات ضراوة في التنميط الفيروسي: virB (100٪) ، omp25 (100٪) ، amiC (100٪) ، ure (91.7٪) ، wbkA (91.7٪) ، و bvfA (75٪). كشفت Virutyping عن أربعة أنماط مختلفة: V1 (نقص bvfA، 16.7٪) ، V2 (يحتوي على جميع الجينات ، 66.7٪) ، V3 (نقص wbkA، 8.3٪) ، و V4 (نقص wbkA و ure، 8.3٪). متكرر خارج الجين كشفت الكتابة المتجانسة PCR (REP-PCR) عن نوعين من REP. تم الكشف عن التنميط الجيني المشترك لـ REP-PCR / مختلفة (G1 - G5) للمعزلات المكتشفة ونمط وراثي فريد للسلالة المرجعية (B. melitensis bv3، G6 الأثير). كانت المعزلات البشرية والماشية من نفس المنزل متطابقة الأنماط الجينية.لخلاصة: كانت هناك عوامل خطر واسعة الانتشار بين الحالات التي تمت دراستها. ضرورة التثقيف الصحي للمجموعات عالية الخطورة للوقاية من الأمراض ، والتنميط الجيني REP-PCR المشترك هو أداة سريعة للتتبع ،خاصة في البلدان النامية الموبوءة بالبروسيلا

قائم بعمل رئيس القسم
أ.د.م وفاء يوسف

قائم بعمل عميد الكلية
أ.د.عاصم العيسوي