بعدد الأشكال الجيني $-\alpha$ - 308 G / A عامل النخر الورم (TNF) - α - 308 G / A عامل النخر الورم (rs1800629) في مرضى الثعلبة البقعية والبهاق المصريين ، تحليل معملى و سيليكو

الغرض والطريقه:

يمكن أن تسبب العديد من أشكال النوكليوتيدات المفردة (SNPs) في منطقة المروج لجين α اختلافات في المواقع التنظيمية للجينات وتعمل كعوامل خطر لبعض اضطرابات المناعة الذاتية مثل الثعلبة والبهاق تهدف هذه الدراسة إلى اكتشاف مستوى المصل α TNF- α بواسطة (RS1800629 و RS1800629 بواسطة real time PCR بين مرضى البهاق والصدفيه المصربين وتحديد علاقتهم بمدة المرض وشدته. مع اجراء تحليل السيليكو لدراسة التنظيم الجزيئي للأنماط الوراثية المتحولة .

النتائج:

و مع الثعلبه ، لم يرتبط أي خطر بالأنماط الوراثية المتحولة مقابل النمط الوراثي الطبيعي ، أو مع G/A مقابل G/A كان خطر الإصابة بالبهاق أعلى بكثير مع G/A و G/A الأنماط الوراثية مقارنة مع مقابل G/A و الثعلبه ، والثعلبه ، والثعلبه ، لوحظ زيادة خطر زيادة كبيرة في لمرضى G/A المتحولة مقابل النمط الوراثي لوحظ زيادة كبيرة في مستويات G/A المصل في النمط الوراثي G/A المتحولة مقابل النمط الوراثي G/A الماسي على الماسي على وفي G/A مع تأثير لاحق على تعبير G/A تعبير G/A

الخلاصه

وفقًا للنتائج ودراسة السيليكو، كانت الأنماط الوراثية (308) $TNF-\alpha$ المتحوله من عوامل الخطر للاصابه بالبهاق في المرضى المصريين ولكن لم يكن لها تا ثير على معدل الاصابه بالصدفيه.

تاريخ النشر: ديسمبر 2020