**البحث الثالث الملخص العربي2019**

# تعدد الأشكال الجينية M iR-146a و miR-155 في المرضى المصريين المصابين بمرض بهجت


**المقدمة والهدف**

الدراسة الحالية صممت لتحليل ما إذا كانت تعدد أشكال miR-146a و miR-155 تتعلق بمرض بهجت (BD) في المصريين.

**الطريقة:**

تم إجراء التنميط الجيني لمجموعه ٩٦مريضًا بمرض بهجت غير اقارب و ١٠٠ من الأشخاص الأصحاء لـ miR-146a (rs2910164) و miR-155 (rs767649) باستخدام تفاعل البلمرة المتسلسل في الوقت الفعلي..

**النتائج**

أظهرت النتائج ارتفاعًا ملحوظًا في تواتر التراكيب الوراثية Gs و CC من ٢٩١٠١٦٤ في مرضى BD مقارنة بالضوابط (معدلة OR = 22.156، 95 CI٪ (٤.٧٢٨-١٠٣.٨١٨) ؛ P <0.001 وتعديلها = ٤٠.٣٥٨ ، ٩٥٪ CI (٨.٩٢٨ - ١٨٢.٤٤٠) ؛ P <0.001 ، على التوالي). أيضا ، أعطى أليل Rs2910164 G خطر أعلى للاصابة BD (المعدل OR = 3.665، ٩٥ ٪ CI (٢.٠١٣-٦.٦٧١) ؛ P <0.001). كان تعدد الأشكال MiR-146a (rs2910164) عامل خطر للإصابة بـ BD في النماذج المسيطرة والمُقيدة والإضافية للوراثة (كل P <0.001) ، بينما كان تعدد الأشكال miR-155 (rs767649) عامل خطر في نموذج المتنحية فقط ( P = 0.021). ارتبطت أنماط وراثية GG و CG من rs2910164 مع ارتفاع النشاط BDCAI واصابة العين مقارنة مع النمط الجيني CC ( P = 0.005 و P = 0.004 ، على التوالي). كان النمط الوراثي AT من rs767649 مرتبطًا بالنشاط الأعلى لـ BDCAI (P = 0. 026) مقارنةً بالطراز الوراثي TT أو AA.

**الاستنتاج:**

من المرجح أن تلعب MiR-146a (rs2910164) و miR-155 (rs767649) دورًا مهمًا في المصريين للاصابة بمرض بهجت BD وأيضًا التأثير على شدة المرض..


**رئيس مجلس قسم الباطنة** **عميد الكلية**

**أد محمد عبدالهادي مشاحيت** **أد خالد أحمد الخشاب**