



تعدد اشكال النوكليوتيدات الوظيفيه (GAS5 rs2067079) و (miR-137 rs1625579) و خطر الإصابة بعدوي فيروس التهاب الكبد B المزمن بين المرضى المصريين

ملخص البحث

تعد عدوى فيروس التهاب الكبد ب (HBV) مشكلة صحية كبيرة في جميع أنحاء العالم. حاولنا استيفاء الآليات الجزيئية للعوامل الوراثية والجينية المرتبطة بفيروس التهاب الكبد ب المزمن (CHBV). تم تحليل مستويات التعبير عن الجين 5 (GAS5) و miR-137 و SNPs المقابلة لهما، rs2067079 (C / T) و rs1625579 (G / T) في 117 مريضاً بفيروس التهاب الكبد ب و 120 من الضوابط للتحقيق في الارتباط المحتمل بين هذه المؤشرات الحيوية ومرضيه CHBV في المرضى المصريين. تم تقليل مستويات التعبير في mصل GAS5 و miR-137 بشكل ملحوظ في الحالات مقابل الضوابط. فيما يتعلق بـ GAS5 (rs2067079)، أظهر النمط الجيني TT المتحور زيادة في خطر الإصابة بفيروس التهاب الكبد ب ($p < 0.001$)، بينما كان CC السائد عاملاً وقائياً ($p = 0.004$). فيما يتعلق بـ miR-137rs1625579، تم الإبلاغ عن النمط الجيني المتحور TT كعامل خطر لـ CHBV ($p < 0.001$) وكان النمط الجيني GG الطبيعي عاملاً وقائياً، $p < 0.001$. كان GAS5 في المصل أعلى بشكل ملحوظ في النمط الجيني المتحور TT مقارنة بالأنماط الجينية الأخرى ($p = 0.007$). فيما يتعلق بـ miR-137rs1625579، كان النمط الجيني المتحور TT مرتبطاً بشكل كبير بمستوى تعبير مصل أقل لـ miR-137 ($p = 0.018$). لقد كشفنا عن أن مستويات التعبير غير المنظمة لـ GAS5 و miR-137 المرتبطة بـ SNPs العاملة كانت مرتبطة بخطر CHBV وقد تعمل كأهداف علاجية محتملة.

مكان وتاريخ النشر: Scientific Reports, 2021

Impact Factor: 4.9 <https://doi.org/10.1038/s41598-021-99345-2>