

التباين الوراثي في عامل نخر الورم المرتبط بجين مستقبل الجند 1 (TRAIL-R1) المسبب لموت الخلايا المبرمج والقابلية للإصابة بسرطان الغدد الليمفاوية غير الهودج كينية B-Cell في مصر

الملخص العربي:

الخلفية: موت الخلايا المبرمج غير المنظم هو السمة المميزة لتطور السرطان وتطوره. يعد TRAIL ومستقبلاته (R1 و R2) من اللاعبين الرئيسيين في مسار موت الخلايا المبرمج الخارجي. قد يؤدي التغيير الجيني أو الحصار على TRAIL-R1 إلى تغيير وظيفة موت الخلايا المبرمج، وبالتالي يوفر ميزة نمو للخلايا الورمية. **الهدف:** دراسة الارتباط المحتمل بين -A683C، C626G، A1322G- وأشكال النوكليوتيدات الفردية (SNPs) لجين TRAIL-R1 والقابلية للإصابة بـ B-NHL في مجموعة من المصريين.

الطرق: تم إجراء التحليل الوراثي لـ 100 مريض من مرضى B-NHL الذين تم تشخيصهم حديثاً و150 شخصاً من الأصحاء المتطابقين مع العمر والجنس. **النتائج:** الأليات متعددة الأشكال لـ C626G و-A1322G تمنح زيادة خطر الإصابة بـ B-NHL بمقدار الضعف تقريباً (OR = 1.76؛ 95% CI = 1.01-3.22 و OR = 1.89؛ 95% CI = 1.01-3.75 على التوالي). لم يكن هناك فرق إحصائي في توزيع أليلات / الأنماط الجينية TRAIL-R1-A683C بين مرضى B-NHL والضوابط. زادت مخاطر B-NHL عندما تم توريث الأنماط الجينية متعددة الأشكال -C626G و-A1322G (OR = 3.57 و 95% CI = 1.29-9.84). زادت المخاطر الممنوحة بواسطة -C626G SNP لـ DLBCL (OR = 3.39، 95% CI: 1.61-7.16).

الاستنتاج: يمكن اعتبار تعدد الأشكال TRAIL-R1-C626G و A1322G بمثابة عوامل خطر جزيئية لـ B-NHL وخاصة DLBCL. تشكل البيانات المقدمة من الدراسة الحالية حجر الرقى الأولي نحو تطوير مجموعة بيانات واسعة النطاق للتغيرات الجينية التي يمكن أن تساهم في تكوين الغدد الليمفاوية لدى السكان المصريين.